

# "אטלים" של הגנים האנושיים יסייע לאיתור חילות

תאי הגזע שנחקרו.  
המחקר יקדם  
מציאת תרופות  
חדשנות



מעבדה רפואיית מתקדמת למחקר גנים האדם

בין היתר הצלicho החוקרים למפות את הגנים הקשורים לסרטן, ובכך תיתכן פריצת דרך במציאת תרופות למחלה ■ בכוחו של המיפוי לסייע בהצבעה על הגנים שגורמים לעמידות המחלה לכימותרפיה, וכך יוכל הרופאים להמליץ לחולמים על טיפול חלופי

עובד אדים כפי שהוא. כמו כן חוקרים אחרים יכולים להשתמש באטלים לצורכי מחקר על מחלות שונות. בסוגנדת ואט, הצלicho החוקרים למפות את כל הגנים הקשורים לסרטן. בכך יצדו החוקרים כלים שיביעו על הגנים המאפשרים עמידות לכימותרפיה – מה שמאפשר להמליץ לחולמים על טיפול חלופי טרם הכימותרפיה הראשונה.

החוקרים בנו את האטלים תוך שימוש בתאי גזע עובריים מזרים. מרובר בסוג יהודי של תא גזע עובריים שמכיל עותק אחד בלבד של הגנים. ואת, לביריהם, בשל יכולתם של תאים מסווג זה להתרבות לאורך זמן רב ולהתמיין לכל סוג התאים בגוף – ייחודה שטקנה להם יתרון שימושותי בתחום הרפואה, ביצירת מורלים לטיפול ובפיתוח תרופות עתידיות.

"בכל שנבנה תמונה שלמה יותר של תאים אלו, כך יגדלו הסיכויים שנוכל לטפל באמצעותם בייעילות במחלות קשות", טוען מנהל המחקה פרופ' נסים בנבניסטי, העומד בראש מרכז עזריאלי לתאי גזע ומחקר גנטי באוניברסיטה העברית בירושלים. "לגביו המחלות התורשתיות ואף בוגגע למחלת הסרטן – האטלים החדש מאפשר זיהוי של גנים המעורבים ביצירת המחלה. וכך לוות מסלולים וגנים שיתקנו את התופעות של כלמחלה, ובכך למצוא תרופות חדשות".

## מעיין הרוני

חוקרים מהאוניברסיטה העברית השתמשו בתאי גזע עובריים אנושיים ובטכнологיה מתקדמת והרכיבו "אטלים" חדש של הגנים האנושיים. בכוחו של הד"אטלס" לדetectein על תפקודיהם של כל הגנים בנוף האדם במצווי בדיאות וחולי, והוא יסייע בחקר הסרטן, באיתור מחלות גנטיות ובמציאת דרכי טיפול בהן, מחד לרמעשה במחקר המשכי לפרויקט הבינלאומי שלו. החוקרים בנו את תפקודם ומידת השיבובים של כל הגנים בגנים האנושיים, ואת פעילות הגנים שעומדים כבסיסן של כל המחלות התרבותיות העוללות לפגיעה בగיליות העובר או היילוד.

בסיום המחקה הצלicho החוקרים להבין את השפעתם של גנים הגורמים לסרטן על התפתחות העוברית המוקדמת. האטלים הוא למעשה תוצר שמודאה את האופן שבבי מתבגרה הפנים בכל המחלות התרבותיות, כshedrober במאנר פיזי של מילוני תאים הנמצא במעבדה. משמעות הדבר היא שניתן למפות את ההשפעה של כל אחת מהמחלות הגנטיות על